

生物工学科研究室

ゲノム情報を用いて新品種の開発の効率化に取り組んでいます

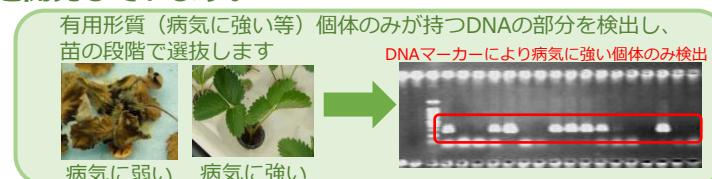
本研究室では、様々な農作物で解読が進んでいるゲノム情報（DNA配列情報）を活用して、病気に強い等の優れた形質を苗の段階で選抜できるDNAマーカーの開発やその遺伝子の単離を進めています。また、開発品種の知的財産権保護のため、DNA鑑定技術の開発に取り組んでいます。

●DNAマーカーとは・・・

- DNAの目印（マーカー）のことをいいます。例えば、病気に強い個体のみを選抜する場合は、病気に強い個体のみが持つDNAの部分をマーカーとして利用します。
- DNAマーカーを利用すると、苗の段階でDNAを調べることにより、優良個体のみを選抜することができます。
- いちご、水稻、大麦等の様々な農産物でゲノム解読が進められています。国内外の研究機関ではそれを利用することにより、DNAマーカーを開発しています。



DNA（4種類の塩基（A, G, C, T）で構成）
ゲノムの大きさ：植物によって異なる
イチゴゲノム：約8億塩基対
イネゲノム：約3億8千万塩基対
ニラゲノム：約300億塩基対



●本県オリジナル品種の開発のためのDNAマーカーの利用

- いちご、水稻、大麦、にら、なし、あじさいでDNAマーカーの開発や利用を進めており、本県オリジナル品種の開発のため使用しています。



いちご
・萎黄病耐病性
・四季成り性



水稻
・縞葉枯病耐病性
・高温登熟耐性



大麦
・縞萎縮病耐病性
・萎縮病耐病性
・穂発芽耐性



なし
・黒星病耐病性
・自家和合性



あじさい
・八重咲き性



にら
・单葉発生性
・複相大胞子形成性

いちごにおける実生選抜

年度	全個体数	萎黄病耐病性・四季成り性	
		マーカー有	マーカー無
2022	5,607	2,862	2,745
2023	5,797	2,793	3,004
2024	10,126	6,733	3,393



F1実生苗集団
耐病性有と無が混在



植える！



植えない！

●品種識別におけるDNAマーカーの利用

- 知的財産権の保護や原種生産に混種防止のため、DNAマーカーを利用しています。

いちご：本県育成品種「とちあいか」、「ミルキーベリー」、「スカイベリー」等を識別
水 稲：本県育成品種「なすひかり」、「とちぎの星」、「夢ささら」等を識別



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学科研究室
Biotechnology Laboratory

いちごの萎黄病耐病性を識別するDNAマーカーの開発と利用



萎黄病に強い新品種を効率よく開発するため、ゲノム情報を利用して耐病性遺伝子と強く関連するDNAマーカー開発を行っています。

● 「萎黄病」とは・・・

- 土壤から感染するいちご栽培における重要病害の一つです。
- 発病すると、葉が黄化し、萎れ、やがて枯死に至り、収量の低下を招きます。
- ランナーを通じて親株から子苗へも伝染します。
- 「とちあいか」は抵抗性ですが、「とちおとめ」は罹病性です。



定植株の症状（小葉の一つが小さく黄化）



耐病性品種
の育成



導管が褐変

● ゲノム（DNA配列）情報を活用したDNAマーカー開発



耐病性強

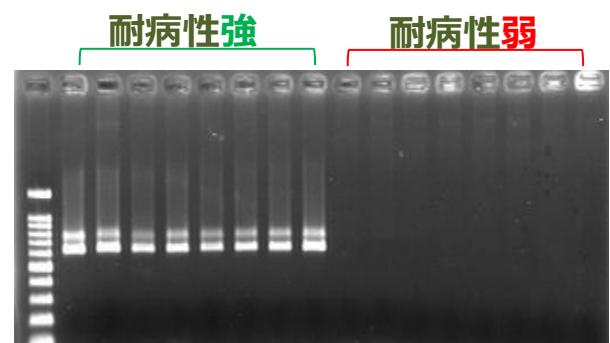


耐病性弱

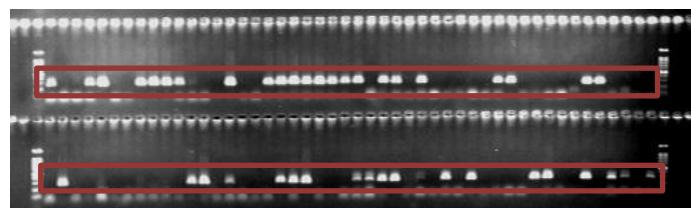
①耐病性の強さが異なる品種間のDNA配列情報を比較します。



③実生苗の段階でDNAを抽出し、PCRによるDNAマーカー増幅後、電気泳動による判定を行います。



②耐病性の強弱と関連するDNA配列を見つけることに成功しました。



耐病性個体の選抜には、病害に汚染した圃場で数年に渡る検定が必要ですが、DNAマーカーによる検定なら、耐病性個体だけを圃場に展開することができます。品種開発が確実に進むことに加え、年限の短縮と圃場の利用効率、労力の軽減にもつながっています。



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

いちごの萎黄病耐病性連鎖DNAマーカーによる交配実生選抜技術



効率的に新品種を開発するため、いちごの萎黄病耐病性を識別するDNAマーカーを開発し、交配実生苗の選抜に利用しています。

● 「イチゴ 萎黄病」とは

- フザリウム菌が引き起こす土壌病害であり、いちごの重要な病害の1つです。
- 発病すると葉が黄化・萎縮し、やがて枯死するため、収量減につながります。
- 本県育成品種の「とちあいか」は耐病性ですが、「とちおとめ」は罹病性です。



初期症状
小葉の1つが小さく黄化する

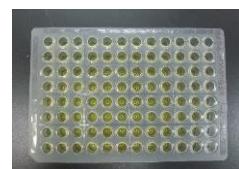
● DNAマーカーによる遺伝子型判定までの手順

①サンプリング



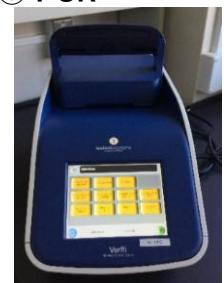
サンプル直径
(2mm)

② DNA抽出



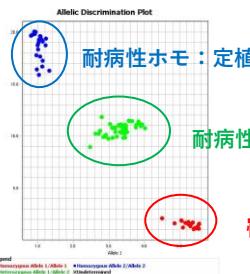
96ウェルPCRプレートにサンプルを加え、
アルカリボイル法によりDNAを抽出する。

③ PCR



DNA断片を増幅する。

⑤ 遺伝子型の判定



④ マーカー検出



リアルタイムPCRで蛍光値を測定する。

● DNAマーカー選抜の利点

- 接種試験と比較して、迅速に多検体を処理できる（省力化）。
- 遺伝子型（耐病性ホモ・耐病性ヘテロ）をもとに2次選抜が可能になる。
- セル苗の段階で耐病性個体を選抜後、定植するため、施設の利用率向上に繋がる。

》》 品種開発の効率化
スピードアップ



遺伝子型の判定結果により、罹病性個体は廃棄し。
耐病性個体のみ定植する。



萎黄病耐病性マーカーを用いた年間検体数
(2021~2025)

2024年に、従来の電気泳動法から
蛍光色素による判定（PACE法）に
変更したことにより、10,000検体以
上の選抜が可能となりました。



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

いちごの四季成り性を識別するDNAマーカーの開発と利用



周年栽培に適したいちご品種を効率的に開発するため、四季成り性を識別するDNAマーカーの開発を進めています。

●四季成り性とは・・・

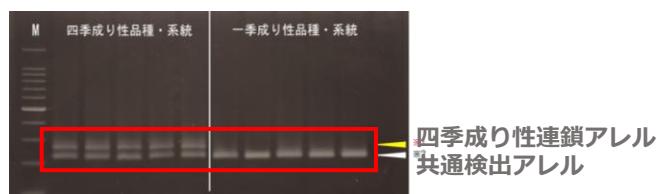
- 四季成り性とは、日長（昼の長さ）に関わらず開花する性質のことです。
 - 「とちおとめ」：一季成り性品種のため、高温・長日（昼が長い）では開花しません。
 - 「なつおとめ」：四季成り性品種のため、夏でも開花し、収穫することができます。

四季成り性を判定するには・・・

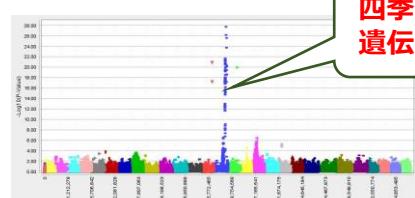


●DNAマーカーの開発と精度向上を図っています

- 効率的に四季成り性個体を判定するため、DNAマーカーを開発してきました。
- 近年では、ゲノム情報を活用して、幅広い交配組合せに対応できるDNAマーカーの開発を進めています。
- 四季成り性に関連する遺伝子領域の特定することにより、更なる高精度な識別マークーの開発を進めています。



アガロース電気泳動による検出



解析集団におけるGWAS解析結果

●DNAマーカーを用いて効率的な選抜をしています

- 苗の段階で判定できるため、四季成り性の個体のみを定植できます。
- DNAの抽出から判定まで短期間で行うことが可能です。

DNAマーカーによる実生苗選抜の流れ



四季成り性の実生苗選抜実績

年度	個体数	マーカー有	マーカー無	判定不能
R2(2020)	2,880	1,459	1,372	49
R3(2021)	1,966	1,032	903	31
R4(2022)	1,920	989	904	27

植える 植えない



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

ゲノム情報を利用した新たな育種法の開発

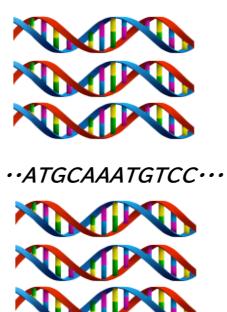


近年、次世代シーケンサー（NGS）の普及により、多くの生物種でゲノムが解読されています。育種分野ではDNA配列情報と有用な遺伝的形質の関係性を調べ、その情報を基に最適な交配組合せや育種選抜を行うゲノム育種の研究が進められています。

ゲノム育種法の開発



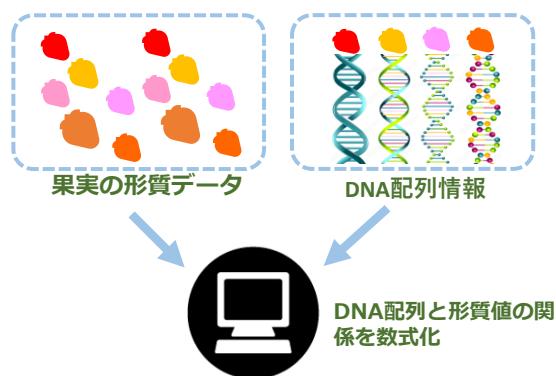
<育種改良形質の例>
甘さ、硬さ、大きさ
耐病性など



作物のゲノムを解読して、情報解析により育種への活用法を試験しています。

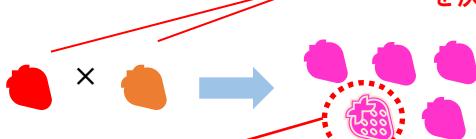
ゲノミックセレクション法

品種・系統間の特徴とDNA情報の関係性を数式化し、DNA配列情報から形質値を予測する式を作成する（予測モデル）。



【育種への活用ケース】

▶ DNA情報から遺伝的能力の高い交配組合せを決定



▶ DNA情報から形質の優れる個体を早期選抜

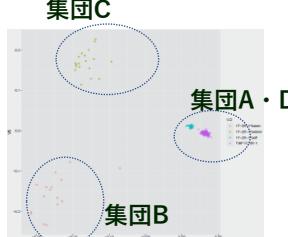
品種系統間のDNA配列の比較

品種、系統間のDNA配列を比べたり、DNA配列の特徴によるグループ分類を行う



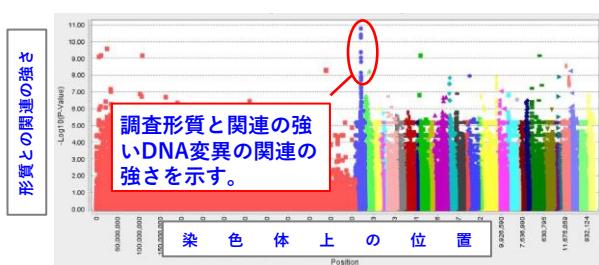
【育種への活用ケース】

DNAマーカーの作成、育種材料基礎情報



ゲノムワイド関連解析（GWAS解析）

ある形質（果実形質や耐病性など）について、様々な個体の形質値とDNA変異の関係を統計的に調べることで、その形質に関連するDNA配列がどの染色体のどの領域の存在するかを推定できる。

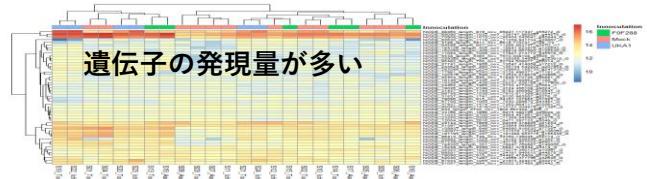


【育種への活用ケース】

形質（硬さ、耐病性など）を選択するDNAマーカーの作成

遺伝子発現解析（RNA-Seq）

ある条件で発現する遺伝子やその発現量をみる



【育種への活用ケース】

有用な形質（耐病性など）の遺伝子発現を捉え、育種素材や品種の特徴を調べる



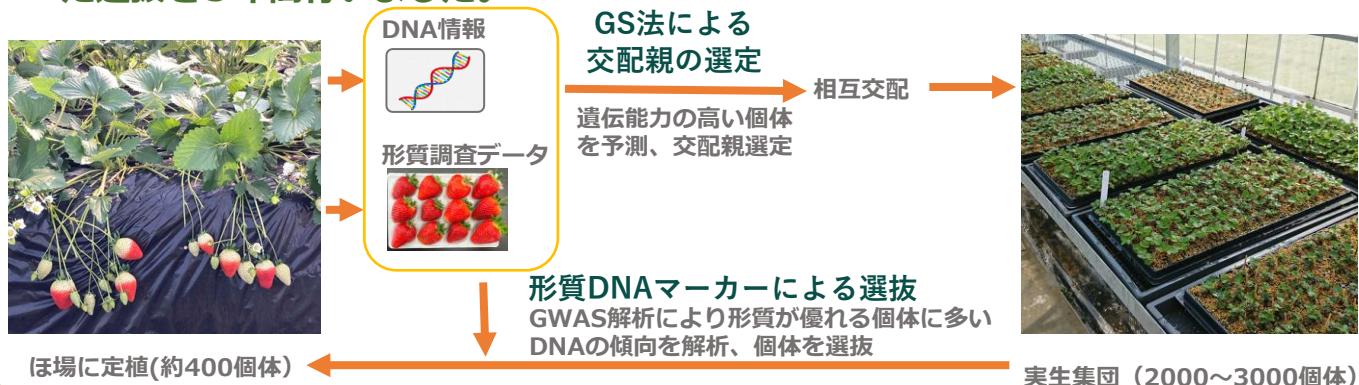
ゲノム情報利用によるいちごの育種選抜効果の実証



輸送性に優れ、果実が大きくて甘く、そして周年出荷が可能ないちご品種の育成を目指し、ゲノミックセレクション(GS)法とゲノムワイド関連解析(GWAS)を用いた選抜方法の効果を検証しています。

●選抜手法の流れ

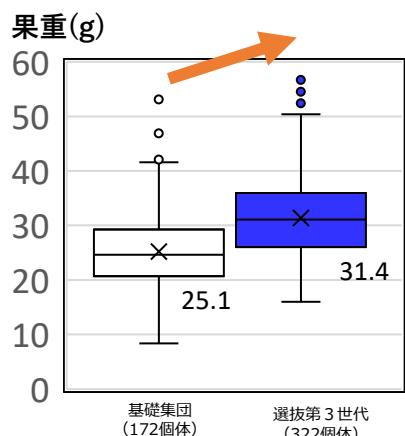
- ・特徴的な形質を持ついちご6品種・系統由来の集団を作出し、GS法とGWASを用いた選抜を3年間行いました。



●選抜効果の検証

GS法による選抜効果

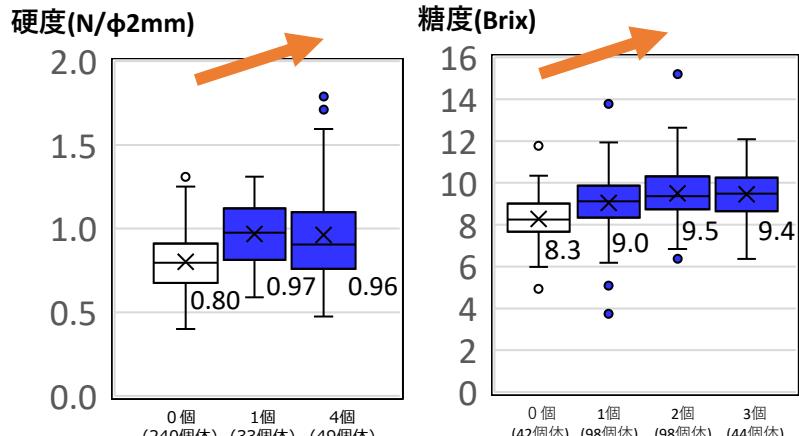
選抜を3年間繰り返したことで、果重が大きく向上しました。



果重が約2割上昇

形質DNAマーカーによる選抜効果

形質DNAマーカーを持つ個体は、果実の硬さ、甘さともに高くなりました。



マーカーを持つことにより硬さや甘さが上昇

今後、GS法による予測値やGWASにより選ばれた形質DNAマーカーによる選抜の有効性について検証し、実用化に向けて開発を進めていきます。



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

遺伝子の働きを解明するための技術確立に取り組んでいます



ウイルスベクターを用いていちごの重要な形質に関わる遺伝子の機能解析を行っています。

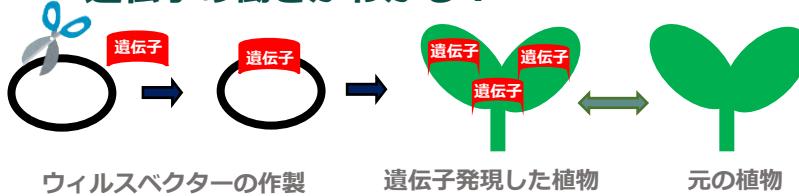
●ウイルスベクターとは

- ・ウイルスに目的遺伝子を連結し植物に感染させることで、遺伝子の働きを調べるためにツールです。
- ・リンゴ小球形潜在ウィルス（ALSV）ベクターを用いて、いちごの遺伝子機能解析を試みています。

◆遺伝子の機能解析

ウイルスベクターを感染させた植物（目的遺伝子が発現した植物）と元の植物を比較し、性質の違いを明らかにします。

⇒ 遺伝子の働きがわかる！



リンゴ小球形潜在ウイルス
(Apple latent spherical virus: ALSV)

- ・岩手県盛岡市のリンゴの木から発見
- ・植物に感染はするが、病徴がほとんど現れない無毒なウイルス
- ・岩手大学にてウイルスベクター開発

●ALSVベクターによるいちごの遺伝子解析の流れ

病徴が出やすい植物であるキノアでウイルスを増殖・濃縮したのち、いちごに感染させます。

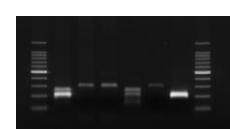
ウイルスをキノアに
感染させる

ウイルス濃縮

濃縮ウイルスをパーティクルガンで
イチゴに接種

RT-PCRにて
感染確認

イチゴの形質
を確認（耐病
性や開花等）



●いちごの遺伝子解析から高精度DNAマーカーの開発へ

- ・ALSVベクターを用いて、いちごの萎黄病や炭疽病等の耐病性遺伝子や四季成り性遺伝子の特定を試みています。
- ・遺伝子を特定することにより、高精度な選抜マーカー（遺伝子マーカー）の開発が可能になります。



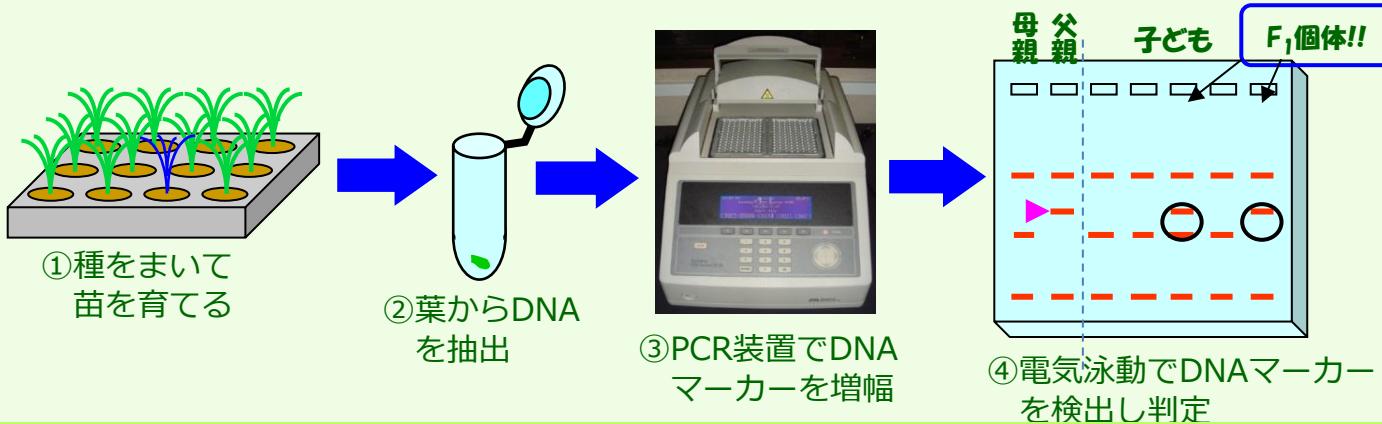
栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

にら品種「ゆめみどり」はDNAマークターにより選抜された品種です

にらは、交雑し難い「単為生殖」という性質を持っています。そこで、DNAマークターを使った親子鑑定を行い、確実に交雑したF₁株を選ぶ技術を開発し、その結果、「ゆめみどり」の育成につながりました。

●DNAマークターによるF₁株判定のフロー



●にら品種「ゆめみどり」の特徴

品種登録情報

「ゆめみどり」は、DNAマークター選抜を利用した第一号のにら新品種として開発され、平成26年7月28日に農林水産省に品種登録を出願し、平成29年2月22日に品種登録（登録番号第25640号）されました。



品種の特徴

- 葉がピンと立っていて（立性）、株元が長く、収穫調製しやすい。
- 葉が厚く、葉幅が広く、品質がよい。
- 茎数は少なめでも、1茎、1茎が重く、収量が多い。
- 生育は旺盛で、収穫回数が進んでも品質が安定している。



栃木オリジナル「にら」育種システムの開発と実用化



交雑率が極めて低い「にら」で、両性生殖性の個体を見出し、それを交配親に利用することで交雑率100%を実現しました。さらにはDNAマーカーで生殖性を判定することにより、有望個体の育種用途を決定し、育種の効率を大幅に向上しました。

<従来の育種>



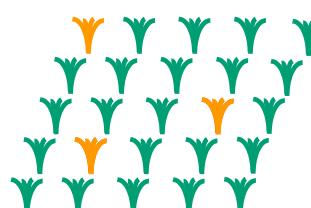
母：単為生殖性



父：単為生殖性

にらは「単為生殖性」という性質があり、交配してもその後代のほとんどは母親のクローンのため、育種効率が極めて低いことが課題でした。

約9割は母親のクローン



少ない交雑個体から、有望個体を選抜



○有望個体

<現在の育種>



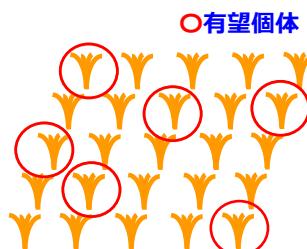
母：両性生殖性



父：単為生殖性

- ・「単為生殖性」にら同士の交雑個体の中から、稀に「両性生殖性」のにらが存在することを発見、これを交配親に利用！
- ・生殖性を判定するDNAマーカーを開発し、育種に利用

交雑率100%→多くの個体から有望個体を選抜



DNAマーカーで生殖性判定

単為生殖性

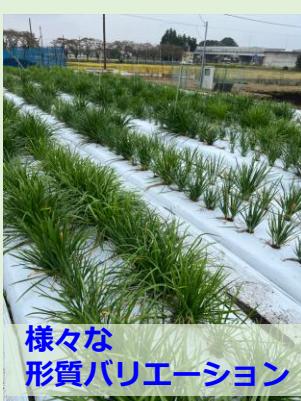
品種候補

「単為生殖性」は、種子生産上はクローンができるため有利

両性生殖性

交配母本

交配が可能なため、次世代の交配親に利用



様々な形質バリエーション

有望個体の生殖性を判定

生殖性に関する2つの因子（複相大胞子形成、単為発生）の有無をDNAマーカーで調べ、生殖性を決定



単為発生性の確認



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

なしの黒星病耐病性と自家和合性をDNAマーカーで判別しています

なしの黒星病耐病性及び自家和合性品種を効率的に開発するため、DNAマーカーによる検定を行っています。

●黒星病とは



葉柄にできた病斑



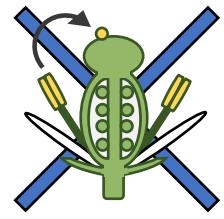
裂果した果実

- ・**黒星病**とは、葉や果実に黒い斑点状の病斑が発生する病気です。
- ・感染力が強く、一度発生すると園内に広がってしまいます。症状が進むと果実が裂ける（裂果）ことがあります。商品として出荷できなくなってしまいます。

●自家和合性とは



自家和合性



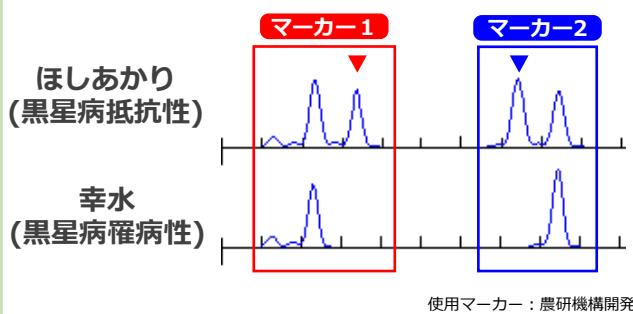
自家不和合性

- ・なしは、自らの花粉で受精できる自家和合性と、他の品種の花粉を受粉しないと結実しない自家不和合性という性質があります。
- ・結実の安定や受粉作業の省力化が期待できることから、自家和合性品種の開発が進められています。

●DNAマーカーで判別できます！

黒星病抵抗性個体の判別

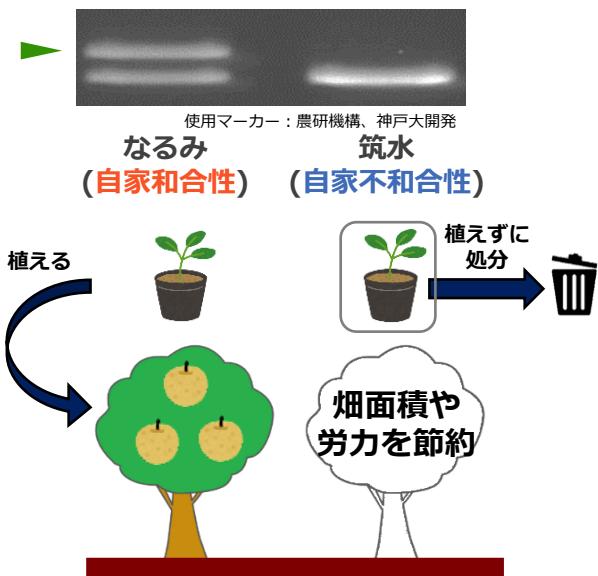
マーカーの検出にはDNAシーケンサーを使います。
耐病性品種にだけピーク(▼, ▼)が検出されます。



従来の育種法では、全ての苗を畑に植え、十分に育ててから調査していました。
しかし、DNAマーカーを活用すると、苗の段階でなしの性質が分かるため、効率的に新品種の育成を行うことができます。

自家和合性個体の判別

マーカーの検出には電気泳動装置を使います。
自家和合性品種にだけバンド(►)が検出されます。



あじさい八重咲き性連鎖DNAマーカーによる交配実生選抜技術

効率的に新品種を開発するため、あじさいの八重咲き性を識別するDNAマーカーを開発し、交配実生苗の選抜に利用しています。

●八重咲き性識別DNAマーカー

- ・八重咲き性は潜性遺伝の形質
- ・“隅田の花火”由来と“城ヶ崎”由来の八重咲きを識別できるDNAマーカーを開発
- ・開発したDNAマーカーにより、遺伝子型（八重咲きホモ、一重咲きヘテロ、一重咲きホモ）が判定可能

八重咲きホモ：八重 × 八重

八重咲き



一重咲きヘテロ：八重 × 一重 or 一重咲きホモ：一重 × 一重

一重咲き



●DNAマーカーを利用した効率的な八重咲き性品種の開発

・交配

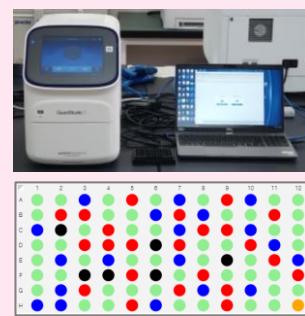


DNAマーカーで遺伝子型を調査
= 八重咲き性個体が出現する組合せがわかる

・採種 ➡ 播種 ➡ セルトレイに鉢上げ

・マーカー選抜

約1か月



蛍光を検出

PCRで増幅

・選抜個体の鉢上げ



ほ場面積・労力を4分の1に軽減

●：八重ホモ ●：ヘテロ ●：一重ホモ

鉢上げ

廃棄

より精度の高いDNAマーカーの開発に向け、研究を進めています。

なお、手まり咲き性についても迅速かつ高精度に判定可能なDNAマーカーを開発中です。



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

あじさいの手まり咲き性を 決定する遺伝子の特定



あじさいの咲き型（手まり咲き、ガク咲き）を決定する遺伝子を世界で初めて特定し、「TEMARY(テマリー)」と命名しました。

●あじさいの咲き型

あじさいの咲き型には、装飾花が密集して球状になる「手まり咲き」と装飾花が額縁のように中心部の両性花を取り囲む「ガク咲き」があり、豪華な見た目で人気の手まり咲き性品種の育成を進めています。



手まり咲き
(フラウヨシミ)



ガク咲き
(きらきら星)

●TEMARY遺伝子と咲き型の関係

- TEMARY遺伝子は花の器官形成に関与している*SEPALLATA*遺伝子に類似しています。
- 両親から引き継いだTEMARY遺伝子のうち、2つとも変異型の個体のみ手まり咲きになり、1つでも正常型を持つ個体はガク咲きになります。

変異型 × 変異型



手まり咲き

変異型 × 正常型 正常型 × 正常型



ガク咲き



特定した遺伝子の情報を基に、あじさいの咲き型を正確かつ迅速に判定できるDNAマーカーの開発を進めています。



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

市場に流通するいちご品種はDNAマークによく識別できます！



市場に流通するいちごについて、苗や果実を見た目だけで品種を識別することは大変困難です。そこで、DNAマークを利用し、本県が開発したいちご品種を含む国内流通品種を識別できる技術を開発しました。

●本県が育成したいちご品種

- これまでに本県が開発し、品種登録・出願公表されたいちご品種は10品種です。
- 苗や果実の外見だけで品種を識別することはとても困難です。



とちあいか



ミルキーベリー



スカイベリー



左：とちあいか、右：スカイベリー

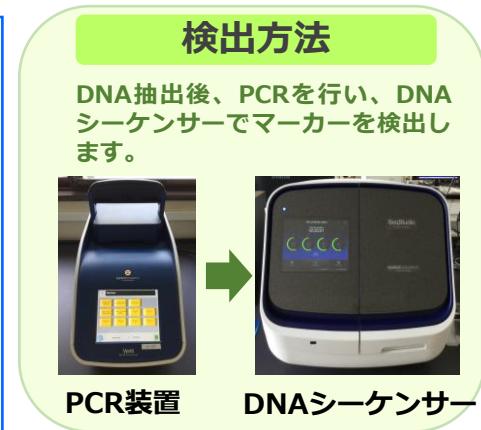
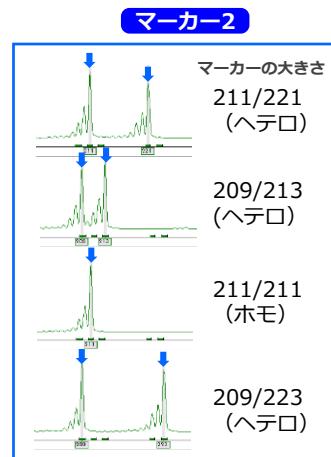
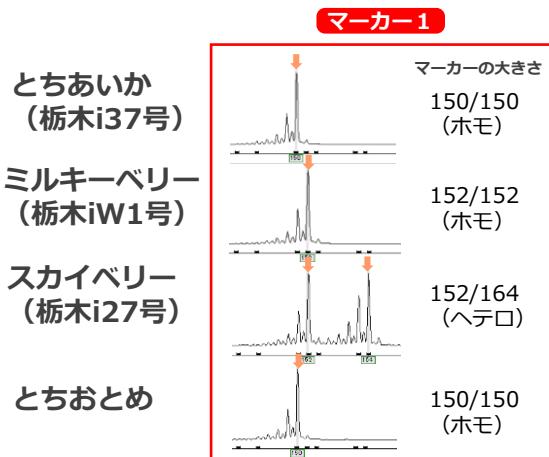


●DNAマークで品種識別が可能です

DNAマークの一つであるSSRマークを用いて品種識別ができます

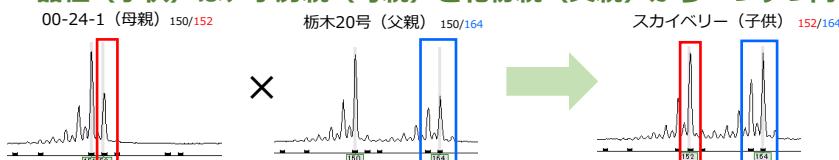
※SSRマーク：DNAに存在する繰り返し配列の長さを検出するマーク。品種によって異なる。

2本対で検出されるので、ホモ（同じDNAが対）とヘテロ（異なるDNAが対）がわかります。



●品種の交配親がわかり、多くの品種を識別できます

- 品種（子供）は、子房親（母親）と花粉親（父親）から一つずつ同じDNA型を受け継ぎます。



7種類のSSRマークにより、国内外223品種・系統の識別が可能です



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory

栃木県が開発した水稻品種はDNAマーカーで識別できます！

栃木県が開発した品種の知的財産の保護および原種の安定生産のためにDNAマーカーによる品種識別を行っています。

●見た目で品種の違いはわかりません



収穫前の水稻の様子(立札ごとに品種が異なります)

栃木農試が開発した品種の玄米



なすひかり
良食味
寒さに強い
倒伏しにくい



とちぎの星
良食味
暑さ・病気に
強い



夢さらさら
酒造好適米
病気に強い
倒伏しにくい



コシヒカリ
福井県開発
良食味

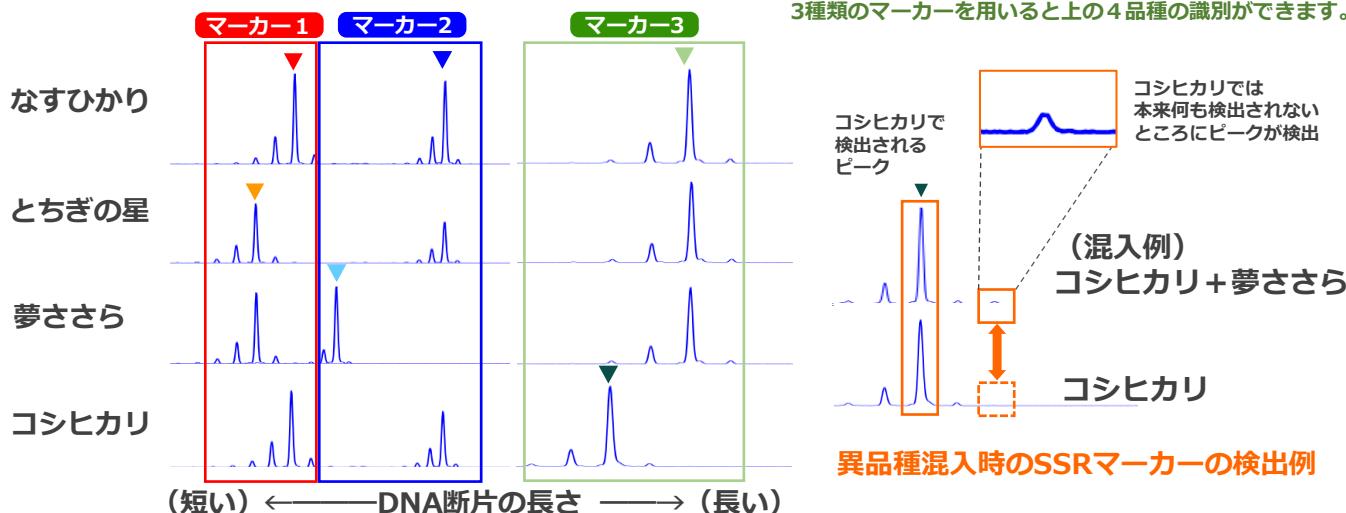
●DNAマーカーを使うと品種の違いがわかります！

- 品種によって各マーカーが検出されるDNA断片の長さが異なります。
- 8種類のマーカーを用いると、栃木県で栽培されている水稻13品種が識別できます。
- また、原種の異品種混入も判定でき、種子の安定生産に活用されています。

栃木農試で開発した品種のSSRマーカー※の検出結果

※SSRマーカー・・・DNAマーカーの一種。品種によって塩基の繰り返し配列の長さが異なるため検出されるDNA断片の長さが異なります。

3種類のマーカーを用いると上の4品種の識別ができます。



品種識別には
こんな機械を使います



PCR装置
DNAの一部を
何万倍にも増幅し
ます。
ヒトのDNA鑑定に
も使います。



DNAシーケンサー
増幅したDNA断片を
検出します。



栃木県農業総合研究センター
Tochigi Prefectural Agricultural Research Center

生物工学研究室
Biotechnology Laboratory